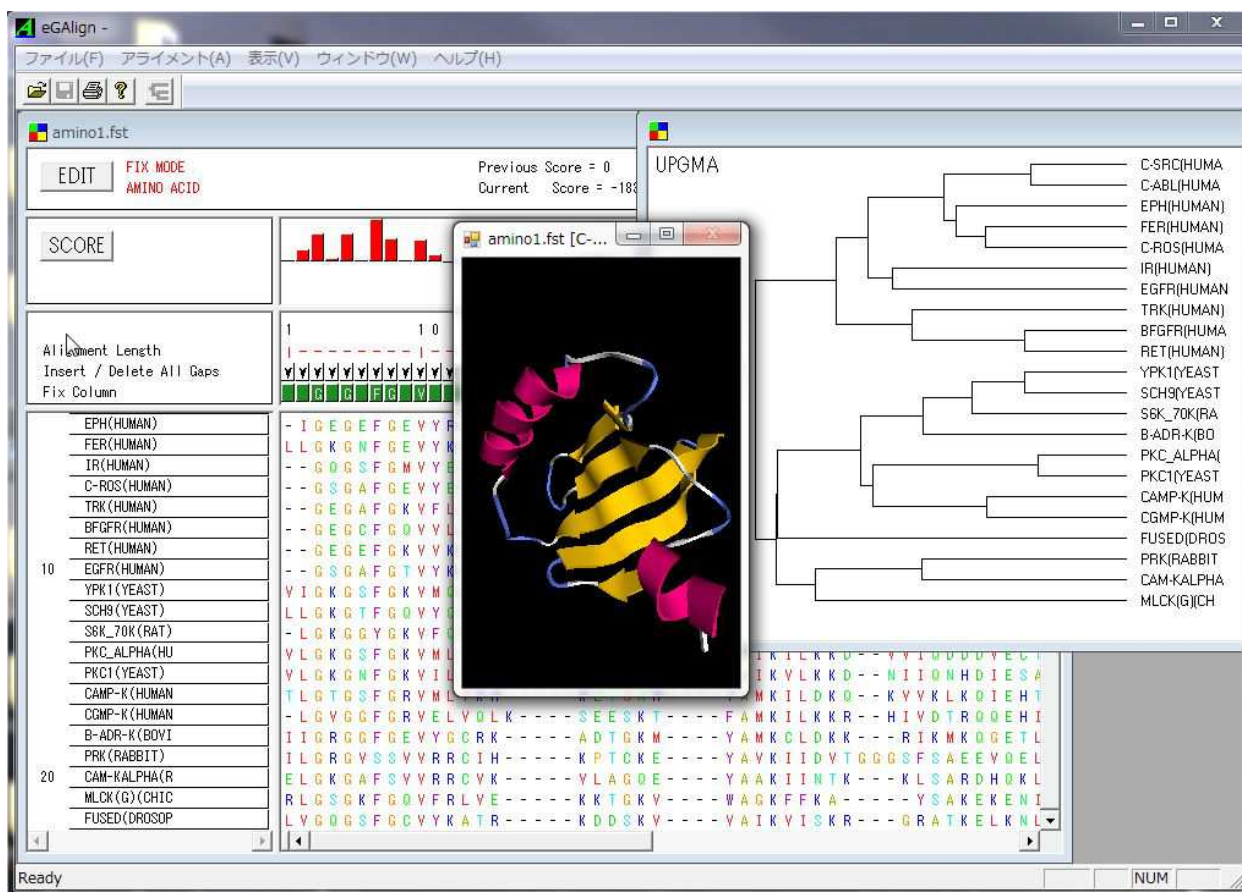




eGAlignはアミノ酸、塩基配列データの編集 (手動アライメント)、アライメント解析、系統樹作成をするソフトウェアです。主な機能は以下の通りです。

- ・マルチFASTA形式の配列データファイルを読み込み編集 (手動アライメント) 可能
- ・アライメント表示のMS-Word出力が可能、配列データは、アミノ酸、核酸データを自動判別
- ・ClustalWなどより精度の良い手法を含めた3通りの手法でアライメント解析
- ・アライメント解析した配列結果のスコア値による比較や再編集が可能
- ・2通りの手法で進化系統樹の作成・印刷が可能
- ・PDBデータからタンパク質の立体構造表示が可能
- ・ホモロジーモデリング計算プログラムModellerの入力ファイル作成・実行が可能 (Modellerは別途インストールが必要)



製品名	機種、OS	価格 (別途消費税)
eGAlign Ver. 3.0 バイナリー版	Windows7	お問い合わせください
○お問合せ先 株式会社情報数理バイオ 営業部 〒170-0012 東京都豊島区東池袋 4-21-1 アウルタワー6F TEL 03-6907-0315 FAX 03-6907-0316 e-mail info@imsbio.co.jp		